

UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

Procedura di selezione per la chiamata a professore di I fascia da ricoprire ai sensi dell'art. 18, comma 1, della Legge n. 240/2010 per il settore concorsuale 05/BIOS-10 - **Biologia cellulare e applicata** (settore scientifico-disciplinare BIOS-10/A - **Biologia cellulare e applicata**) presso il Dipartimento di BIOSCIENZE, (avviso bando pubblicato sulla G.U. n. 99 del 13/12/2024) - Codice concorso 5654

THOMAS VACCARI

CURRICULUM VITAE

INFORMAZIONI PERSONALI

COGNOME	VACCARI
NOME	THOMAS

TITOLI

TITOLO DI STUDIO

LAUREA IN SCIENZE BIOLOGICHE, 16 Dicembre 1997

Università degli Studi di Milano, votazione 110/110 cum laude.
Titolo della tesi: "Identificazione del gene Hmg0, codificante per una nuova proteina della famiglia HMG1/2". Svolta nel Dipartimento di Genetica e Biologia dei Microrganismi. Relatore: Marco E. Bianchi, corelatore: Monica Beltrame

TITOLO DI DOTTORE DI RICERCA O EQUIVALENTI, OVVERO, PER I SETTORI INTERESSATI, DEL DIPLOMA DI SPECIALIZZAZIONE MEDICA O EQUIVALENTE, CONSEGUITO IN ITALIA O ALL'ESTERO

DOTTORATO IN BIOLOGIA MOLECOLARE, 6 Giugno 2003

University of Heidelberg e European Molecular Biology Laboratory (EMBL) joint doctorate. Votazione: Summa cum laude.
Titolo della tesi: "Multiple roles of the conserved kinase Par-1 in *Drosophila* cell polarity". Svolta presso EMBL, Heidelberg, Germania. Relatore: Anne Ephrussi

ALTRI TITOLI CONSEGUITI

POSTDOC, 1 Luglio 2003 - 30 Giugno 2004
EMBL- Heidelberg, Germania.

POSTDOC, 1 Luglio 2004 - 30 Aprile 2009
University of California, Berkeley, USA.

JUNIOR GROUP LEADER, 1 Giugno 2009 - 31 Gennaio 2017
IFOM, Milano, Italia.

PROFESSORE ASSOCIATO SSD BIOS-10/A, 1 Febbraio 2017 - in corso
Dipartimento di Bioscienze, Milano, Italia.

ABILITAZIONE SCIENTIFICA NAZIONALE A PROFESSORE DI I FASCIA, SSD BIOS-10/A, Conseguita il 03/04/2018, valida fino a 03/04/2029.

ATTIVITÀ DIDATTICA

INSEGNAMENTI E MODULI

Ho insegnato nei seguenti corsi:

TIROCINIO INTERNO LABORATORI UNIVERSITARI (LT BIOLOGIA) ESERCITAZIONI 48 ORE, 3 CFU PER OGNI ANNO ACCADEMICO (AA) DI EROGAZIONE. SSD VARI.

Erogato negli AA 2017-18, 2018-19, 2019-20, 2020-21

La mia parte di tirocinio prevede attività pratiche di laboratorio incentrate sull'uso del moscerino della frutta *Drosophila melanogaster* come modello transgenico in vivo per lo studio della proliferazione e differenziamento di tessuti e organi in concordanza con la declaratoria dell'SSD BIOS-10/A: "...meccanismi cellulari di trasmissione e controllo dell'informazione genetica ed epigenetica dei caratteri selvatici e mutati, sviluppo, differenziamento e proliferazione cellulare....l'utilizzo di tutte le tecnologie biologiche avanzate, comprese le tecnologie ricombinanti e l'utilizzo di animali transgenici, è indispensabile al raggiungimento degli obiettivi indicati"

ADVANCED MOLECULAR AND CELLULAR BIOTECHNOLOGY (LM MOLECULAR BIOTECHNOLOGY AND BIOINFORMATICS) LEZIONI 24 ORE, 3 CFU PER OGNI AA DI EROGAZIONE. SSD BIOS-04/A E BIOS-08/A.

Erogato negli AA 2017-18, 2018-19, 2019-20, 2020-21, 2021-22, 2022-23, 2023-24, 2024-25 (2 cfu ancora da erogare)

La mia parte di corso prevede l'insegnamento della storia e basi tecniche dell'uso del sistema modello *Drosophila melanogaster* come modello transgenico *in vivo* per la ricerca biomedica e biotecnologica in concordanza con la declaratoria dell'SSD BIOS-10/A: "...meccanismi cellulari di trasmissione e controllo dell'informazione genetica ed epigenetica dei caratteri selvatici e mutati...l'utilizzo di tutte le tecnologie biologiche avanzate, comprese le tecnologie ricombinanti e l'utilizzo di animali transgenici, è indispensabile al raggiungimento degli obiettivi indicati", come si evince dal programma: <https://www.unimi.it/en/education/degree-programme-courses/2025/advanced-molecular-and-cellular-biotechnology>

BIOLOGIA GENERALE E AMBIENTALE CON ELEMENTI DI ISTOLOGIA (LT SCIENZE NATURALI) LEZIONI 56 ORE, 7 CFU PER OGNI AA DI EROGAZIONE. SSD BIOS-04/A.

Erogato negli AA 2018-19, 2019-20, 2020-21, 2021-22, 2022-23, 2023-24, 2024-25

Il corso prevede l'insegnamento della biologia generale in linea con la declaratoria dell'SSD BIOS-10/A: "...studio integrato della cellula e degli organismi viventi, con particolare riguardo ai meccanismi di base coinvolti nei seguenti processi: meccanismi cellulari di trasmissione e controllo dell'informazione genetica... basi biologiche dell'evoluzione;", come si evince dal programma: <https://www.unimi.it/it/corsi/insegnamenti-dei-corsi-di-laurea/2025/biologia-generale-e-ambientale-con-elementi-di-istologia>

GENETICS, CELLULAR AND MOLECULAR BIOLOGY (LM BIOINFORMATICS FOR COMPUTATIONAL GENOMICS) LEZIONI 16 ORE, 2 CFU PER OGNI AA DI EROGAZIONE. SSD BIOS-10/A, SSD BIOS-14/A E BIOS-08/A

Erogato negli AA 2019-20, 2020-21

Corso di nuova istituzione. La mia parte di corso ha previsto l'insegnamento di concetti di base della biologia di cellule, organelli subcellulari e interazione tra cellule.

CELL POPULATION DYNAMICS (LM QUANTITATIVE BIOLOGY) LEZIONI 32 ORE 4 CFU ESERCITAZIONI 32 ORE 2 CFU) PER OGNI ANNO DI EROGAZIONE. SSD BIOS-10/A, SSD BIOS-04/A E BIOS-08/A

Erogato negli AA 2021-22, 2022-23, 2023-24, 2024-25

Corso di nuova istituzione. Il corso prevede l'insegnamento di diversi aspetti del comportamento di popolazioni cellulari: movimenti, riarrangiamenti, segnalazione concertata ed espressione genica. Le attività pratiche in laboratorio si concentrano su esempi di polarizzazione e migrazione cellulare in colture tissutali, oltre che organizzazione tissutale e riarrangiamenti cellulari *in vivo* utilizzando come modello *Drosophila melanogaster*, come si evince dal programma:

<https://www.unimi.it/en/education/degree-programme-courses/2025/cell-population-dynamics>

DISCIPLINE TECNICHE PER LA FORMAZIONE GIORNALISTICA (ATTIVITÀ DI DIDATTICA MASTER WALTER TOBAGI) LEZIONI 13 ORE

Erogato nell'AA 2022-23 (13 ore) e 2024-25 (4 ore ancora da erogare)

Il corso prevede l'esposizione agli aspiranti giornalisti di temi scientifici che hanno avuto rilevanza mediatica. La mia funzione è di strutturare il corso invitando docenti che si sono occupati dei temi in questione, tra cui: Rino Rappuoli (Virus, epidemie e vaccini), Marco De Vivo (AI e nuove tecnologie in medicina), Elena Cattaneo (malattie genetiche), temi in parte compatibili con la declaratoria dell'SSD BIOS-10/A.

ATTIVITÀ DIDATTICA CORSI DI PERFEZIONAMENTO

Erogato nell'AA 2023-24 (3 ore) e 2024-25 (2)

Le lezioni hanno trattato l'uso di *Drosophila* come sistema modello per la ricerca preclinica una tematica compatibile con la declaratoria dell'SSD BIOS-10/A.

In totale le ore di insegnamento per AA sono state:

AA 2017-18: 72 ore, AA 2018-19: 128 ore, AA 2019-20: 144 ore, AA 2020-21: 144 ore, AA 2021-22: 144 ore, AA 2023-24: 147 ore, AA 2024-25: 142 ore

ATTIVITÀ DI DIDATTICA INTEGRATIVA E DI SERVIZIO AGLI STUDENTI

ATTIVITÀ DI RELATORE DI ELABORATI DI LAUREA, DI TESI DI LAUREA MAGISTRALE, DI TESI DI DOTTORATO E DI TESI DI SPECIALIZZAZIONE

Relatore di elaborati di laurea triennale: (38 studenti)

AA 2011-12

Anke Witt: "An in vivo screen in *Drosophila* to uncover novel interactors of endosomal sorting in epithelial tissue"

Biotechnology B.Sc., Hochschule Lausitz (Germania)

Valeria Mastrodonato: "Caratterizzazione della proteina di traffico cellulare SNAP29"

Biotechnologie, Università degli Studi di Milano-Bicocca

AA 2017-18, 2018-19, 2019-20, 2020-21

8 tesi all'anno nell'ambito del tirocinio di Scienze Biologiche, Università degli Studi di Milano

AA 2020-21

Alessia Marinoni "Criopreservazione degli embrioni di *Drosophila melanogaster*"

Luca Vago "Espressione transgenica tessuto-specifica utilizzando un modello di gene switch"
Scienze Naturali, Università degli Studi di Milano

AA 2021-22

Samuele Mariani "Il fattore di trascrizione TFEB/Mitf e la disfunzione autofago-lisosomale in modelli C9-SLA"

Biotechnologie, Università degli Studi di Milano-Bicocca

Giorgia Pedico **“Caratterizzazione di un modello di Drosophila della malattia di Kufs di tipo B”**
Scienze Naturali, Università degli Studi di Milano

Relatore di elaborati di Erasmus + summer students: (3 studenti)

AA 2018-19

Tolgahan Ozer **“Study of rare disease models using Drosophila melanogaster”**
Canakkale University, Turchia

AA 2022-23

Ecem Ozedemir **“Characterization of Cathepsin F mutations in Drosophila”**
Demiroglu Bilim University, Turchia

AA 2023-24

Kaan Kozluca **“Muscle phenotypes in a Drosophila model of Rett syndrome”**
Bogazici University, Turchia

Relatore di elaborati di tesi magistrale: (13 studenti)

AA 2010-11

Pierpaolo Ginefra **“Clonaggio e caratterizzazioni di geni soppressori tumorali in Drosophila melanogaster”**
Medical Biotechnology, Università di Bari

AA 2011-12

Arianna Fumagalli **“Developmental regulation of the vacuolar ATPase subunit c by Notch signaling in Drosophila melanogaster”**
BARB, Università degli Studi di Milano

AA 2012-13

Valeria Mastrodonato **“Characterization of a possible role of the SNARE protein Snap29 during cell division”**
BARB, Università degli Studi di Milano

AA 2013-14

Ilaria Busi **“Engineering of Drosophila mutants by CRISPR/Cas9- mediated genome editing”**
MBC, Università degli Studi di Milano

AA 2016-17

Marco Gualtieri **“Characterization of CG12163/Cathepsin F CRISPR/Cas9 mutants in Drosophila as a targeted in vivo model of type B Kufs disease”**
MBC, Università degli Studi di Milano

AA 2016-17

Francesca Carminati **“Quantitative analysis of Notch trafficking and signaling and characterization of novel modulators of the Notch pathway”**
MBC, Università degli Studi di Milano

AA 2019-20

Elisa Speranza **“Characterization of the SNARE protein Snap29 function in ER-Golgi trafficking and cell division”**
MBC, Università degli Studi di Milano

Simona Totaro **“Drosophila melanogaster come sistema modello di patologie dello sviluppo associate a disfunzioni delle coesine: Cornelia de Lange Syndrome e Medulloblastoma”**
BARB, Università degli Studi di Milano

Francesco Lavezzari **“Generation and characterization of CG7830/Osty mutants in Drosophila melanogaster as an in vivo model for Congenital Disorders of Glycosylation”**
BIOEVO, Università degli Studi di Milano

AA 2020-21

Giulia Vitale **"Generation and characterization of a *Drosophila melanogaster* model of Type B Kufs disease"**

BARB, Università degli Studi di Milano

Gaia Consonni **"Diet modulation, microbiome analysis and gut proteomics**

in a *Drosophila melanogaster* model of Congenital Disorders of Glycosylation based on NGLY1 deficiency"

Bionutri, Università degli Studi di Milano

AA 2022-23

Shiyao Ma **"Characterization of 14-3-3 proteins as putative interactors of the E3 ubiquitin ligase Hecw in *Drosophila*"**

MBB, Università degli Studi di Milano

AA 2023-24

Viola Prestini **"Cellular homeostasis genes regulating autophagy in developing *Drosophila* motor neurons: a focus on V-ATPases"**

MBB, Università degli Studi di Milano

Relatore di elaborati di tesi di dottorato: (10 studenti)

AA 2013-14

Elena Morelli **"Novel functions of the SNARE protein Snap29 in membrane trafficking and cell division"**

Dottorato di Medicina molecolare, SEMM, Università degli Studi di Milano

AA 2014-15

Emiliana Tognon **"Regulation of Notch signaling by the endo- lysosomal system in *Drosophila*: the role of ESCRT-0 and V-ATPase"**

Dottorato di Medicina molecolare, SEMM, Università degli Studi di Milano

Francis Kobia **"Pharmacologic inhibition of the vacuolar H⁺ ATPase reduces physiologic and oncogenic Notch signaling"**

Dottorato di Medicina molecolare, SEMM, Università degli Studi di Milano

AA 2016-17

Victor Alfred **"Genetic screening to identify interactors of escrt-ii subunit, *vps25*, and preliminary characterisation of candidates"**

Dottorato di Medicina molecolare, SEMM, Università degli Studi di Milano

AA 2017-18

Valeria Mastrodonato **"The study of Snap29 in mitosis and CEDNIK pathogenesis"**

Dottorato di Medicina molecolare SEMM Università degli Studi di Milano

AA 2018-19

Miriam Formica **"V-ATPase and autophagy prevent gliomagenesis in a *Drosophila* model system"**

Dottorato di Medicina Molecolare e Traslazionale, Università degli Studi di Milano

AA 2021-22

China Genchi **"Genetic modulation of Notch signaling and lysosomal function in *Drosophila melanogaster*"**

Dottorato di Biologia Cellulare e Molecolare, Università degli Studi di Milano

AA 2023-24

Paulien Smeele **"Investigating the role of Snap29 and the autophagy pathway in *Drosophila melanogaster* models of C9orf72-linked ALS/FTD"**

Dottorato di Biologia Cellulare e Molecolare, Università degli Studi di Milano

Giuliana Cesare **"Investigating the role of the E3 ubiquitin ligase Hecw in autophagy and stress response"**

Biologia Cellulare e Molecolare, Università degli Studi di Milano

Simona Totaro **"Modeling cohesin-dependent oncogenesis in vitro and in vivo: possible ameliorative effects of PARP inhibition"**

1 tesi in cotutoraggio con Prof. V. Massa Dottorato di Medicina Traslazionale, Università degli Studi di Milano

ATTIVITÀ DI TUTORATO DEGLI STUDENTI DI CORSI DI LAUREA E DI LAUREA MAGISTRALE E DI TUTORATO DI DOTTORANDI DI RICERCA

Relatore interno per tesi magistrali esterne (12 studenti):

Per ogni studente ho agito come tutor, incontrandoli periodicamente, per assicurarmi che venisse fornita adeguata formazione nei laboratori dove è stato svolto il lavoro di tesi

AA 2018-19

Anna Spinelli **"Characterization of host-virus interaction in influenza a viral infection of mucosal explants isolated from pigs"**

MBB, Università degli Studi di Milano

AA 2019-20

Mara Cenerenti **"Multidimensional flow cytometric analysis of t lymphocyte subsets in lung disease patients"**

MBB, Università degli Studi di Milano

Firda Fadhilah **"Functional study of long non-coding rna neat1 in multiple myeloma"**

MBB, Università degli Studi di Milano

Leonardo Barzaghi **"Rab5 family members in the control of collective motility in epithelial cells"**

MBB, Università degli Studi di Milano

AA 2020-21

Shahab Abdolnejad Mamaghani **"Synovial profiling in acpa-negative and acpa-positive rheumatoid arthritis"**

MBB, Università degli Studi di Milano

AA 2021-22

Antonietta Verrillo **"Development of a 3d tissue engineered model of endochondral ossification to study ewing s sarcoma metastasis"**

BARB, Università degli Studi di Milano

Saravana Kumar **"Targeted integration to study effects of different anti-apoptotic genes on CHO cell culture performance"**

MBB, Università degli Studi di Milano

AA 2022-23

Mohammad Amin Monsef **"Evaluation of the influence of a human-derived medium supplement on the culture of adipose-derived stem cells, articular chondrocytes, and synovial fibroblasts for an innovative oa therapy"**

MBC, Università degli Studi di Milano

Sorour Eslami **"Optimization of culture conditions to develop a microfluidic vascularized osteochondral model"**

MBC, Università degli Studi di Milano

Alberto Peruzzi **"Shining light on bacterial growth and interactions - a fluorescent journey into gene expression and population dynamics modeling"**

QB, Università degli Studi di Milano

AA 2023-24

Emma Terzi **"Investigation of endu-2 protein in inhibition of stress responses upon onset of the reproduction in c. Elegans"**

MBB, Università degli Studi di Milano

Farnaz Fazaeli **"Dissecting a potential cross-talk between the h3k9me3 and h4k20me3 histone marks in breast cancer subtypes"**

MBB, Università degli Studi di Milano

Tutor per studenti di dottorato (4 studenti):

Per ogni studente ho agito come tutor, come parte del committee, che incontra il dottorando annualmente per valutare il lavoro fatto e suggerire migliorie ed esperimenti futuri.

AA 2019-20

Silvia Brocchetti **"hES cells to study early neurodevelopment in Huntington's disease"**

Dottorato di Biologia Cellulare e Molecolare

Università degli Studi di Milano

AA 2022-23

Filippo Burattin **"Dissecting non-coding genome function to identify novel epigenetic regulators in T lymphocytes maturation"**

Dottorato di Biologia Cellulare e Molecolare

Università degli Studi di Milano

Luca Palloni **"Long-term regulation mechanisms of the HCN4 channel"**

Dottorato di Biologia Cellulare e Molecolare

Università degli Studi di Milano

AA 2023-24

Giulia Rizzi **"The lysosomal amyloid aggregation of B2-microglobulin promotes Multiple myeloma progression: a molecular focus on this pro-cancer mechanism"**

Dottorato di Biologia Cellulare e Molecolare

Università degli Studi di Milano

Partecipazione a commissioni di tesi di laurea magistrale (7 studenti):

AA 2015-16

Alex Pezzotta **"Studio del ruolo dei fattori trascrizionali Sox nello sviluppo vascolare di zebrafish"**

BARB, Università degli Studi di Milano

AA 2016-17

Carola Bonfanti **"The role of Eiger, the Drosophila Tnf-alpha, in a novel model to study obesity and relative metabolic disorders"**

BARB, Università degli Studi di Milano

AA 2017-18

Mahnoosh Osteraza **"The effect of Substance P on Corneal Thickness and Innervation"**

MBB, Università degli Studi di Milano

Ermelinda Jaku **"Targeting integrated stress response in vanishing white matter disease"**

MBC, Università degli Studi di Milano

AA 2018-19

Francesco Malvestiti **"An integrative approach for the quantitative study of melanoma cell migration"**

MBB, Università degli Studi di Milano

Shagahayegh Bayati **"Expression and purification of the mouse protein CHCHD4 and its interaction with AIF"**

MBC, Università degli Studi di Milano

Guido Gatti **“eIF6 overexpression induces a transcriptional and metabolic rewiring during *Drosophila melanogaster* development”**

MBC, Università degli Studi di Milano

Partecipazione a commissioni di tesi di dottorato (10 studenti):

AA 2010-11

Thomas Burgold **“Functional dissection of the histone lysine demethylase JMJD3”**

SEMM, Università degli Studi di Milano

AA 2012-13

Heidi Binder **“A trasposon-based insertional mutagenesis screen in Eu-myc mouse”**

SEMM, Università degli Studi di Milano

Veronica Algisi **“Molecular characterization of clathrin-dependent EGFR endocytosis unveils distinct internalization mechanisms that couple with different signaling outputs”**

SEMM, Università degli Studi di Milano

AA 2013-14

Loredana Puca **“Role of arrestin family in Notch pathway in mammals”**

Pasteur, Paris University

AA 2014-15

Matteo Biancospino **“Functional and structural characterization of myosin VI isoforms”**

SEMM, Università degli Studi di Milano

Caterina Lucano **“A novel role for the endocytic adaptor protein Eps15 and Eps15L1 in the regulation of Notch signaling”**

SEMM, Università degli Studi di Milano

AA 2018-19

Giulia Monticone **“Consequences of EGFR module mutations n Notch signaling and trafficking”**

University of Manchester

AA 2020-2021

Claudia Saitta **“Predisposition to hematological malignancies in children and adults: from genetic profiling to clonal evolution”**

Università degli Studi di Milano - Bicocca

AA 2023-24

Chris Dunworth **“ER-Exit sites act as platform for alpha-synuclein aggregation”**

Medizinische Universität Innsbruck

AA 2024-25

Francesca Pappacena **“Role of endosomal trafficking in RNA control of autophagy in neurons”**

Università Vita-Salute San Raffaele

SEMINARI

Seminari didattici

AA 2009-10

“Course of cancer genetics” per dottorandi SEMM Mol Med, IFOM-IEO Campus

AA 2011-12

“Trafficking biology, signaling and development” per studenti di lauree mediche, Università San Raffaele

“Course on animal models for research” per dottorandi SEMM Mol Med, IFOM-IEO Campus

AA 2012-13

“Course of genetics” per dottorandi SEMM FOLSATEC, IFOM-IEO Campus

AA 2013-14

“Course of developmental biology” per dottorandi SEMM Mol Med, IFOM-IEO Campus

Da AA2011 ad oggi

“Use of *Drosophila* as a model system for biomedicine” per studenti laurea magistrale BARB, Università degli Studi di Milano

AA 2018-19 e AA 2019-20

“Uso di *Drosophila* come sistema modello” Corso Tecnici Stabulario UniMi sulla sperimentazione animale, Università degli Studi di Milano

Da AA 2023-24 al oggi

“Uso di *Drosophila* come sistema modello per la ricerca biomedica” Corsi di perfezionamento sulle 3R, Università degli Studi di Milano

ATTIVITÀ DI RICERCA SCIENTIFICA

PUBBLICAZIONI SCIENTIFICHE

Researcher ID: B-1945-2015

ORCID: orcid.org/0000-0002-6231-7105

Scopus Author ID: 6603645752

Indicatori bibliometrici (Scopus 8 Gennaio 2025)

59 pubblicazioni

H-index 26

Numero di citazioni 9326

Pubblicazioni in PubMed

55: Kobia FM, Castro e Almeida L, Paganoni AJJ, Carminati F, Andronache A, Lavezzari F, Wade M, **Vaccari T** (2024). Novel determinants of NOTCH1 trafficking and signaling in breast epithelial cells. Life Sci Alliance. 2024 Dec 11;8(3):e202403122. doi: 10.26508/lsa.202403122. PMID: 39663000. 0 citazioni

54: Smeele PH, Cesare G, **Vaccari T**. ALS' Perfect Storm: C9orf72-Associated Toxic Dipeptide Repeats as Potential Multipotent Disruptors of Protein Homeostasis. Cells. 2024 Jan 17;13(2):178. doi: 10.3390/cells13020178. PMID: 38247869. 2 citazioni

53: Pandey A, Galeone A, Han SY, Story BA, Consonni G, Mueller WF, Steinmetz LM, **Vaccari T**, Jafar-Nejad H. Gut barrier defects, intestinal immune hyperactivation and enhanced lipid catabolism drive lethality in NGLY1-deficient *Drosophila*. Nat Commun. 2023 Sep 13;14(1):5667. doi: 10.1038/s41467-023-40910-w. PMID: 37704604. 7 citazioni

52: Frappaolo A, Karimpour-Ghahnavieh A, Cesare G, Sechi S, Fraschini R, **Vaccari T**, Giansanti MG. GOLPH3 protein controls organ growth by interacting with TOR signaling proteins in *Drosophila*. Cell Death Dis. 2022 Nov 27;13(11):1003. doi: 10.1038/s41419-022-05438-9. PMID: 36435842. 7 citazioni

51: Akwa Y, Di Malta C, Zallo F, Gondard E, Lunati A, Diaz-de-Grenu LZ, Zampelli A, Boiret A, Santamaria S, Martinez-Preciado M, Cortese K, Kordower JH, Matute C, Lozano AM, Capetillo-Zarate E, **Vaccari T**, Settembre C, Baulieu EE, Tampellini D. Stimulation of synaptic activity promotes TFEB-mediated clearance of pathological MAPT/Tau in cellular and mouse models of tauopathies. Autophagy.

2023 Feb;19(2):660-677. doi: 10.1080/15548627.2022.2095791. Epub 2022 Jul 22. PMID: 35867714. 9 citazioni

50: Ferrari V, Cristofani R, Cicardi ME, Tedesco B, Crippa V, Chierichetti M, Casarotto E, Cozzi M, Mina F, Galbiati M, Piccolella M, Carra S, **Vaccari T**, Nalbandian A, Kimonis V, Fortuna TR, Pandey UB, Gagliani MC, Cortese K, Rusmini P, Poletti A. Pathogenic variants of Valosin-containing protein induce lysosomal damage and transcriptional activation of autophagy regulators in neuronal cells. *Neuropathol Appl Neurobiol.* 2022 Aug;48(5):e12818. doi: 10.1111/nan.12818. Epub 2022 May 15. PMID: 35501124. 10 citazioni

49: Smeele PH, Vaccari T. Snapshots from within the cell: Novel trafficking and non trafficking functions of Snap29 during tissue morphogenesis. *Semin Cell Dev Biol.* 2023 Jan 15;133:42-52. doi: 10.1016/j.semcdb.2022.02.024. Epub 2022 Mar 4. PMID: 35256275. 4 citazioni

48: Fajner V, Giavazzi F, Sala S, Oldani A, Martini E, Napoletano F, Parazzoli D, Cesare G, Cerbino R, Maspero E, **Vaccari T**, Polo S. Hecw controls oogenesis and neuronal homeostasis by promoting the liquid state of ribonucleoprotein particles. *Nat Commun.* 2021 Sep 16;12(1):5488. doi: 10.1038/s41467-021-25809-8. PMID: 34531401. 5 citazioni

47: Formica M, Storaci AM, Bertolini I, Carminati F, Knævelsrud H, Vaira V, **Vaccari T**. V-ATPase controls tumor growth and autophagy in a Drosophila model of gliomagenesis. *Autophagy.* 2021 Dec;17(12):4442-4452. doi: 10.1080/15548627.2021.1918915. Epub 2021 May 12. PMID: 33978540. 7 citazioni

46: Di Fede E, Ottaviano E, Grazioli P, Ceccarani C, Galeone A, Parodi C, Colombo EA, Bassanini G, Fazio G, Severgnini M, Milani D, Verduci E, **Vaccari T**, Massa V, Borghi E, Gervasini C. Insights into the Role of the Microbiota and of Short-Chain Fatty Acids in Rubinstein-Taybi Syndrome. *Int J Mol Sci.* 2021 Mar 31;22(7):3621. doi: 10.3390/ijms22073621. PMID: 33807238. 6 citazioni

45: Morelli E, Speranza EA, Pellegrino E, Beznoussenko GV, Carminati F, Garré M, Mironov AA, Onorati M, **Vaccari T**. Activity of the SNARE Protein SNAP29 at the Endoplasmic Reticulum and Golgi Apparatus. *Front Cell Dev Biol.* 2021 Feb 18;9:637565. doi: 10.3389/fcell.2021.637565. PMID: 33718375. 14 citazioni

44: Klionsky DJ, Abdel-Aziz AK, Abdelfatah S,**Vaccari T**...et al... Guidelines for the use and interpretation of assays for monitoring autophagy (4th edition)¹. *Autophagy.* 2021 Jan;17(1):1-382. doi: 10.1080/15548627.2020.1797280. Epub 2021 Feb 8. PMID: 33634751. 1624 citazioni

43: Grazioli P, Parodi C, Mariani M, Bottai D, Di Fede E, Zulueta A, Avagliano L, Cereda A, Tenconi R, Wierzb J, Adami R, Iascone M, Ajmone PF, **Vaccari T**, Gervasini C, Selicorni A, Massa V. Lithium as a possible therapeutic strategy for Cornelia de Lange syndrome. *Cell Death Discov.* 2021 Feb 17;7(1):34. doi: 10.1038/s41420-021-00414-2. PMID: 33597506. 14 citazioni

42: Memeo R, Paiè P, Sala F, Castriotta M, Guercio C, **Vaccari T**, Osellame R, Bassi A, Bragheri F. Automatic imaging of Drosophila embryos with light sheet fluorescence microscopy on chip. *J Biophotonics.* 2021 Mar;14(3):e202000396. doi: 10.1002/jbio.202000396. Epub 2020 Dec 16. PMID: 33295053. 25 citazioni

41: Galeone A, Adams JM, Matsuda S, Presa MF, Pandey A, Han SY, Tachida Y, Hirayama H, **Vaccari T**, Suzuki T, Lutz CM, Affolter M, Zuberi A, Jafar-Nejad H. Regulation of BMP4/Dpp retrotranslocation and signaling by deglycosylation. *Elife.* 2020 Jul 28;9:e55596. doi: 10.7554/eLife.55596. PMID: 32720893; PMCID: PMC7394544. 28 citazioni

40: Luna-Peláez N, March-Díaz R, Ceballos-Chávez M, Guerrero-Martínez JA,

- Grazioli P, García-Gutiérrez P, **Vaccari T**, Massa V, Reyes JC, García-Domínguez M. The Cornelia de Lange Syndrome-associated factor NIPBL interacts with BRD4 ET domain for transcription control of a common set of genes. *Cell Death Dis.* 2019 Jul 18;10(8):548. doi: 10.1038/s41419-019-1792-x. PMID: 31320616; PMCID: PMC6639259. 37 citazioni
- 39: Russo A, Gatti G, Alfieri R, Pesce E, Soanes K, Ricciardi S, Mancino M, Cheroni C, **Vaccari T**, Biffo S, Calamita P. Modulating eIF6 levels unveils the role of translation in ecdysone biosynthesis during *Drosophila* development. *Dev Biol.* 2019 Nov 1;455(1):100-111. doi: 10.1016/j.ydbio.2019.05.013. Epub 2019 Jul 5. PMID: 31283922. 5 citazioni
- 38: Gualtieri M, **Vaccari T**. Genetic and Cell Biology Methods to Study ESCRTs in *Drosophila melanogaster*. *Methods Mol Biol.* 2019;1998:13-29. doi: 10.1007/978-1-4939-9492-2_2. PMID: 31250291. 0 citazioni
- 37: Terrasi A, Bertolini I, Martelli C, Gaudioso G, Di Cristofori A, Storaci AM, Formica M, Bosari S, Caroli M, Ottobrini L, **Vaccari T**, Vaira V. Specific V-ATPase expression sub-classifies IDHwt lower-grade gliomas and impacts glioma growth in vivo. *EBioMedicine.* 2019 Mar;41:214-224. doi: 10.1016/j.ebiom.2019.01.052. Epub 2019 Feb 5. PMID: 30737087; PMCID: PMC6441867. 19 citazioni
- 36: Bertolini I, Terrasi A, Martelli C, Gaudioso G, Di Cristofori A, Storaci AM, Formica M, Braidotti P, Todoerti K, Ferrero S, Caroli M, Ottobrini L, **Vaccari T**, Vaira V. A GBM-like V-ATPase signature directs cell-cell tumor signaling and reprogramming via large oncosomes. *EBioMedicine.* 2019 Mar;41:225-235. doi: 10.1016/j.ebiom.2019.01.051. Epub 2019 Feb 6. PMID: 30737083; PMCID: PMC6441844. 32 citazioni
- 35: Mastrodonato V, Bezoussenko G, Mironov A, Ferrari L, Deflorian G, **Vaccari T**. A genetic model of CEDNIK syndrome in zebrafish highlights the role of the SNARE protein Snap29 in neuromotor and epidermal development. *Sci Rep.* 2019 Feb 4;9(1):1211. doi: 10.1038/s41598-018-37780-4. PMID: 30718891; PMCID: PMC6361908. 20 citazioni
- 34: Rusmini P, Cortese K, Crippa V, Cristofani R, Cicardi ME, Ferrari V, Vezzoli G, Tedesco B, Meroni M, Messi E, Piccolella M, Galbiati M, Garrè M, Morelli E, **Vaccari T**, Poletti A. Trehalose induces autophagy via lysosomal-mediated TFEB activation in models of motoneuron degeneration. *Autophagy.* 2019 Apr;15(4):631-651. doi: 10.1080/15548627.2018.1535292. Epub 2018 Nov 5. PMID: 30335591; PMCID: PMC6526812. 289 citazioni
- 33: Alfred V, **Vaccari T**. Mechanisms of Non-canonical Signaling in Health and Disease: Diversity to Take Therapy up a Notch? *Adv Exp Med Biol.* 2018;1066:187-204. doi: 10.1007/978-3-319-89512-3_9. PMID: 30030827. 14 citazioni
- 32: Mastrodonato V, Morelli E, **Vaccari T**. How to use a multipurpose SNARE: The emerging role of Snap29 in cellular health. *Cell Stress.* 2018 Mar 22;2(4):72-81. doi: 10.15698/cst2018.04.130. PMID: 31225470; PMCID: PMC6551745. 21 citazioni
- 31: Horner DS, Pasini ME, Beltrame M, Mastrodonato V, Morelli E, **Vaccari T**. ESCRT genes and regulation of developmental signaling. *Semin Cell Dev Biol.* 2018 Feb;74:29-39. doi: 10.1016/j.semcdb.2017.08.038. Epub 2017 Aug 25. PMID: 28847745. 18 citazioni
- 30: Akwa Y, Gondard E, Mann A, Capetillo-Zarate E, Alberdi E, Matute C, Marty S, **Vaccari T**, Lozano AM, Baulieu EE, Tampellini D. Synaptic activity protects against AD and FTD-like pathology via autophagic-lysosomal degradation. *Mol Psychiatry.* 2018 Jun;23(6):1530-1540. doi: 10.1038/mp.2017.142. Epub 2017 Jul 11. PMID: 28696431; PMCID: PMC5641448. 41 citazioni
- 29: Morelli E, Mastrodonato V, Bezoussenko GV, Mironov AA, Tognon E, **Vaccari T**. An essential step of kinetochore formation controlled by the SNARE protein

Snap29. EMBO J. 2016 Oct 17;35(20):2223-2237. doi: 10.15252/embj.201693991. Epub 2016 Sep 19. PMID: 27647876; PMCID: PMC5069552. 15 citazioni

28: Alfred V, **Vaccari T**. When membranes need an ESCRT: endosomal sorting and membrane remodelling in health and disease. Swiss Med Wkly. 2016 Sep 15;146:w14347. doi: 10.4414/smw.2016.14347. PMID: 27631343. 23 citazioni

27: Klionsky DJ, Abdelmohsen K, Abe A,..**Vaccari T** et al... Guidelines for the use and interpretation of assays for monitoring autophagy (3rd edition). Autophagy. 2016;12(1):1-222. doi: 10.1080/15548627.2015.1100356. Erratum in: Autophagy. 2016;12(2):443. doi: 10.1080/15548627.2016.1147886. Selliez, Iban [corrected to Seilliez, Iban]. PMID: 26799652; PMCID: PMC4835977. 4401 citazioni

26: Tognon E, Kobia F, Busi I, Fumagalli A, De Masi F, **Vaccari T**. Control of lysosomal biogenesis and Notch-dependent tissue patterning by components of the TFEB-V-ATPase axis in *Drosophila melanogaster*. Autophagy. 2016;12(3):499-514. doi: 10.1080/15548627.2015.1134080. Epub 2016 Jan 4. PMID: 26727288; PMCID: PMC4836007. 38 citazioni

25: Di Cristofori A, Ferrero S, Bertolini I, Gaudio G, Russo MV, Berno V, Vanini M, Locatelli M, Zavanone M, Rampini P, **Vaccari T**, Caroli M, Vaira V. The vacuolar H⁺ ATPase is a novel therapeutic target for glioblastoma. Oncotarget. 2015 Jul 10;6(19):17514-31. doi: 10.18632/oncotarget.4239. PMID: 26020805; PMCID: PMC4627325. 58 citazioni

24: Morelli E, Ginefra P, Mastrodonato V, Beznoussenko GV, Rusten TE, Bilder D, Stenmark H, Mironov AA, **Vaccari T**. Multiple functions of the SNARE protein Snap29 in autophagy, endocytic, and exocytic trafficking during epithelial formation in *Drosophila*. Autophagy. 2014;10(12):2251-68. doi: 10.4161/15548627.2014.981913. PMID: 25551675; PMCID: PMC4502674. 64 citazioni

23: Handschuh K, Feenstra J, Koss M, Ferretti E, Risolino M, Zewdu R, Sahai MA, Bénazet JD, Peng XP, Depew MJ, Quintana L, Sharpe J, Wang B, Alcorn H, Rivi R, Butcher S, Manak JR, **Vaccari T**, Weinstein H, Anderson KV, Lacy E, Selleri L. ESCRT-II/Vps25 constrains digit number by endosome-mediated selective modulation of FGF-SHH signaling. Cell Rep. 2014 Oct 23;9(2):674-87. doi: 10.1016/j.celrep.2014.09.019. Epub 2014 Oct 16. PMID: 25373905; PMCID: PMC4223648. 14 citazioni

22: Cuomo A, Sanfilippo R, **Vaccari T**, Bonaldi T. Proteomics meets genetics: SILAC labeling of *Drosophila melanogaster* larvae and cells for in vivo functional studies. Methods Mol Biol. 2014;1188:293-311. doi: 10.1007/978-1-4939-1142-4_21. PMID: 25059620. 5 citazioni

21: Tognon E, **Vaccari T**. Immunohistochemical tools and techniques to visualize Notch in *Drosophila melanogaster*. Methods Mol Biol. 2014;1187:63-78. doi: 10.1007/978-1-4939-1139-4_5. PMID: 25053481. 1 citazioni

20: Tognon E, Wollscheid N, Cortese K, Tacchetti C, **Vaccari T**. ESCRT-0 is not required for ectopic Notch activation and tumor suppression in *Drosophila*. PLoS One. 2014 Apr 9;9(4):e93987. doi: 10.1371/journal.pone.0093987. PMID: 24718108; PMCID: PMC3981749. 18 citazioni

19: Kobia F, Duchi S, Deflorian G, **Vaccari T**. Pharmacologic inhibition of vacuolar H⁺ ATPase reduces physiologic and oncogenic Notch signaling. Mol Oncol. 2014 Mar;8(2):207-20. doi: 10.1016/j.molonc.2013.11.002. Epub 2013 Nov 18. PMID: 24309677; PMCID: PMC5528540. 53 citazioni

18: Petzoldt AG, Gleixner EM, Fumagalli A, **Vaccari T**, Simons M. Elevated expression of the V-ATPase C subunit triggers JNK-dependent cell invasion and overgrowth in a *Drosophila* epithelium. Dis Model Mech. 2013 May;6(3):689-700.

doi: 10.1242/dmm.010660. Epub 2013 Jan 18. PMID: 23335205; PMCID: PMC3634652. 36 citazioni

17: Boniolo G, **Vaccari T**. Publishing: Alarming shift away from sharing results. *Nature*. 2012 Aug 9;488(7410):157. doi: 10.1038/488157d. PMID: 22874955. 3 citazioni

16: Thompson BJ, Perez F, **Vaccari T**. The young and happy marriage of membrane traffic and cell polarity. *EMBO Rep*. 2012 Aug;13(8):670-2. doi: 10.1038/embor.2012.98. Epub 2012 Jul 10. PMID: 22777496; PMCID: PMC3410396. 1 citazioni

15: Rusten TE, **Vaccari T**, Stenmark H. Shaping development with ESCRTs. *Nat Cell Biol*. 2011 Dec 22;14(1):38-45. doi: 10.1038/ncb2381. PMID: 22193162. 112 citazioni

14: **Vaccari T**, Duchi S, Cortese K, Tacchetti C, Bilder D. The vacuolar ATPase is required for physiological as well as pathological activation of the Notch receptor. *Development*. 2010 Jun;137(11):1825-32. doi: 10.1242/dev.045484. PMID: 20460366; PMCID: PMC2867318. 129 citazioni

13: Classen AK, Bunker BD, Harvey KF, **Vaccari T**, Bilder D. A tumor suppressor activity of Drosophila Polycomb genes mediated by JAK-STAT signaling. *Nat Genet*. 2009 Oct;41(10):1150-5. doi: 10.1038/ng.445. Epub 2009 Sep 13. PMID: 19749759; PMCID: PMC2782793. 116 citazioni

12: **Vaccari T**, Rusten TE, Menut L, Nezis IP, Brech A, Stenmark H, Bilder D. Comparative analysis of ESCRT-I, ESCRT-II and ESCRT-III function in Drosophila by efficient isolation of ESCRT mutants. *J Cell Sci*. 2009 Jul 15;122(Pt 14):2413-23. doi: 10.1242/jcs.046391. PMID: 19571114; PMCID: PMC2704878. 129 citazioni

11: **Vaccari T**, Bilder D. At the crossroads of polarity, proliferation and apoptosis: the use of Drosophila to unravel the multifaceted role of endocytosis in tumor suppression. *Mol Oncol*. 2009 Aug;3(4):354-65. doi: 10.1016/j.molonc.2009.05.005. Epub 2009 Jun 6. PMID: 19560990; PMCID: PMC2755045. 40 citazioni

10: **Vaccari T**, Lu H, Kanwar R, Fortini ME, Bilder D. Endosomal entry regulates Notch receptor activation in Drosophila melanogaster. *J Cell Biol*. 2008 Feb 25;180(4):755-62. doi: 10.1083/jcb.200708127. PMID: 18299346; PMCID: PMC2265571. 225 citazioni

9: Menut L, **Vaccari T**, Dionne H, Hill J, Wu G, Bilder D. A mosaic genetic screen for Drosophila neoplastic tumor suppressor genes based on defective pupation. *Genetics*. 2007 Nov;177(3):1667-77. doi: 10.1534/genetics.107.078360. Epub 2007 Oct 18. PMID: 17947427; PMCID: PMC2147992. 63 citazioni

8: Rusten TE, **Vaccari T**, Lindmo K, Rodahl LM, Nezis IP, Sem-Jacobsen C, Wendler F, Vincent JP, Brech A, Bilder D, Stenmark H. ESCRTs and Fab1 regulate distinct steps of autophagy. *Curr Biol*. 2007 Oct 23;17(20):1817-25. doi: 10.1016/j.cub.2007.09.032. Epub 2007 Oct 11. PMID: 17935992. 279 citazioni

7: **Vaccari T**, Bilder D. The Drosophila tumor suppressor vps25 prevents nonautonomous overproliferation by regulating notch trafficking. *Dev Cell*. 2005 Nov;9(5):687-98. doi: 10.1016/j.devcel.2005.09.019. PMID: 16256743. 311 citazioni

6: **Vaccari T**, Rabouille C, Ephrussi A. The Drosophila PAR-1 spacer domain is required for lateral membrane association and for polarization of follicular epithelial cells. *Curr Biol*. 2005 Feb 8;15(3):255-61. doi: 10.1016/j.cub.2005.01.033. PMID: 15694310. 24 citazioni

5: **Vaccari T**, Ephrussi A. The fusome and microtubules enrich Par-1 in the oocyte, where it effects polarization in conjunction with Par-3, BicD, Egl, and dynein. *Curr Biol*. 2002 Sep 3;12(17):1524-8. doi: 10.1016/s0960-9822(02)01079-5. PMID: 12225669. 52 citazioni

4: Moroni A, Gorza L, Beltrame M, Gravante B, **Vaccari T**, Bianchi ME, Altomare C, Longhi R, Heurteaux C, Vitadello M, Malgaroli A, DiFrancesco D.

Hyperpolarization-activated cyclic nucleotide-gated channel 1 is a molecular determinant of the cardiac pacemaker current I(f). *J Biol Chem*. 2001 Aug 3;276(31):29233-41. doi: 10.1074/jbc.M100830200. Epub 2001 Apr 27. PMID: 11328811. 93 citazioni

3: Golay J, Zaffaroni L, **Vaccari T**, Lazzari M, Borleri GM, Bernasconi S, Tedesco F, Rambaldi A, Introna M. Biologic response of B lymphoma cells to anti-CD20 monoclonal antibody rituximab in vitro: CD55 and CD59 regulate complement-mediated cell lysis. *Blood*. 2000 Jun 15;95(12):3900-8. PMID: 10845926. 572 citazioni

2: **Vaccari T**, Moroni A, Rocchi M, Gorza L, Bianchi ME, Beltrame M, DiFrancesco D. The human gene coding for HCN2, a pacemaker channel of the heart. *Biochim Biophys Acta*. 1999 Sep 3;1446(3):419-25. doi: 10.1016/s0167-4781(99)00092-5. PMID: 10524219. 69 citazioni

1: **Vaccari T**, Beltrame M, Ferrari S, Bianchi ME. Hmg4, a new member of the Hmg1/2 gene family. *Genomics*. 1998 Apr 15;49(2):247-52. doi: 10.1006/geno.1998.5214. PMID: 9598312. 87 citazioni

ORGANIZZAZIONE, DIREZIONE E COORDINAMENTO DI CENTRI O GRUPPI DI RICERCA NAZIONALI E INTERNAZIONALI O PARTECIPAZIONE AGLI STESSI

Attività come partecipante a gruppi di ricerca durante il mio periodo di formazione (1996-2009):

1996-97

Come studente di tesi nel laboratorio di Marco E. Bianchi, ho partecipato al progetto "Identificazione del gene Hmg0, codificante per una nuova proteina della famiglia HMG1/2", presso il Dipartimento di Genetica e Biologia dei Microrganismi.

Grazie a metodi di ricerca nelle prime banche dati di EST, ho identificato frammenti di cDNA codificanti per un nuovo paralogo di HMGB1, che ho proceduto a clonare screenando una libreria di fagi e identificare nel genoma di topo tramite Northern blot. Tale lavoro ha costituito la mia tesi di laurea ed è stato pubblicato in **Vaccari T et al, Genomics 1998**.

1998

Come studente laureato nel laboratorio di Marco E. Bianchi e in collaborazione con il gruppo di Dario DiFrancesco, ho partecipato al progetto di identificazione dei canali HCN cardiaci, presso il Dipartimento di Genetica e Biologia dei Microrganismi e il dipartimento di Fisiologia.

Ho clonato il cDNA di un canale responsabile per il pacemaking cardiaco che, espresso ectopicamente in cellule non cardiache fornisce attività di battito. Tale lavoro è stato pubblicato in **Vaccari T et al Biochim Biophys Acta 1999** e **Moroni A et al. J Biol Chem**, che in combinato sono stati citati 172 volte. L'articolo è tra i primi a descrivere i geni dei canali HCN.

1999

Come studente laureato volontario per il servizio civile ho lavorato nel laboratorio di Martino Introna, presso l'Istituto di Ricerche Farmacologiche Mario Negri di Milano.

Ho partecipato al progetto di caratterizzazione degli effetti dell'anticorpo monoclonale anti-CD20. Con il mio lavoro ho contribuito alla seguente pubblicazione: **Golay J et al Blood. 2000**, che è stata citata 571 volte e ha contribuito a fare di Rituximab un farmaco universalmente usato nella terapia dei tumori del sangue.

2000-04

Come studente di dottorato nel laboratorio di Anne Ephrussi, presso EMBL Heidelberg mi sono occupato di studiare l'effetto della kinasina Par-1 nella polarizzazione dell'oocita di *Drosophila* (**Vaccari T and Ephrussi Curr Biol 2002**) e delle cellule epiteliali del follicolo ovarico (**Vaccari et al Curr Biol 2005**).

La polarizzazione delle cellule è un processo chiave nella differenziazione cellulare e tissutale. Il lavoro si inserisce nel corpus di conoscenze riguardo ai complessi Par che regolano la polarità universalmente nelle cellule dei metazoi.

2004-09

Come Postdoc nel laboratorio di David Bilder, presso il dipartimento di Molecular and Cellular Biology dell'università della California ho partecipato all'identificazione di nuovi geni soppressori tumorali che regolano la polarità epiteliale in *Drosophila*.

Lo screen che ho condotto ha isolato diverse classi di mutanti che inattivano i geni codificanti le subunità dei complessi ESCRT che regolano il sorting all'endosoma e molteplici altre attività di rimodellamento delle membrane cellulari. I lavori di riferimento riguardo a queste geni che ho pubblicato sono: **Vaccari and Bilder, Dev Cell 2005**, **Vaccari et al J Cell Biol 2008**, **Vaccari et al J Cell Sci 2009**. Altre classi di geni identificate nello screen sono descritte in **Menut et al Genetics 2007**, **Rusten et al Curr Biol 2007** e **Classen et al Nat Genetics 2010**.

Attività come organizzatore, direttore e coordinatore del mio gruppo di ricerca (2009-ad oggi):

Sono rientrato in Italia come vincendo una posizione da Junior Group Leader presso l'istituto IFOM situato al Campus IFOM-IEO di Milano. In tale ruolo ho stabilito un nuovo gruppo di ricerca (www.vaccarilab.unimi.it) che studia i meccanismi di regolazione del traffico di membrana e il loro impatto sulla trasduzione del segnale durante lo sviluppo di tessuti e organi utilizzando principalmente il moscerino della frutta *Drosophila melanogaster* come modello in vivo. In questi ambiti, il laboratorio ha portato avanti i seguenti progetti:

2009-13

Studio dei meccanismi endocitici rilevanti per la soppressione tumorale, con il supporto di un finanziamento new unit start up grant di AIRC (Associazione Italiana Ricerca sul Cancro).

Nell'ambito di questo finanziamento, il mio laboratorio ha continuato a lavorare sulla funzione dei geni ESCRT e ha identificato un nuovo ruolo dei componenti dell'ATPasi vacuolare nella regolazione della segnalazione di Notch (**Vaccari et al Development 2010**, **Petzoldt et al Dis Model Mech 2013**, **Kobia et al Mol Oncology 2014**, **Tognon et al PlosOne 2014**).

2013-19

Grazie all'identificazione nel mio laboratorio della funzione proteina Snap29 nella regolazione dell'autofagia (**Morelli et al Autophagy 2014**), il mio laboratorio ha ottenuto un finanziamento da Telethon per studiare un modello in *Drosophila* della sindrome CEDNIK, causata da mutazioni in SNAP29.

Nel contesto di questo progetto abbiamo scoperto un nuovo ruolo di Snap29 nella divisione cellulare rilevante per la tumorigenesi (**Morelli et al EMBO J 2016**), abbiamo creato un modello di Zebrafish mutante per Snap29 (**Mastrodonato et al Sci Rep 2019**) e abbiamo studiato la funzione di Snap29 all'apparato di Golgi (**Morelli et al Front Cell Dev Biol 2021**).

2015-17

La prosecuzione del lavoro del mio laboratorio sulla V-ATPasi si è focalizzata sul ruolo in Notch signaling, e grazie ad un nuovo grant triennale di AIRC e di Cariplo alla collaboratrice Valentina Vaira, abbiamo esplorato il coinvolgimento della V-ATPasi nel glioblastoma.

I risultati di questi studi sono stati pubblicati in **Di Cristofori et al Oncotarget 2015**, **Tognon et al Autophagy 2016**, **Bertolini et al eBiomedicine 2019**, **Terrasi et eBiomedicine 2019**.

In seguito alla mia nomina come professore associato, nel 2017 il mio laboratorio si è trasferito al Dipartimento di Bioscienze dell'Università degli Studi di Milano. Qui sono stati perseguiti i seguenti progetti

2018-2023

Il laboratorio ha continuato a lavorare sulle V-ATPasi e ha intrapreso uno screen per l'identificazione di nuovi target del pathway di Notch importanti per la formazione dei tumori con il supporto di AIRC e Worldwide Cancer Research.

Abbiamo scoperto la V-ATPasi è limitante per la crescita di gliomi (**Formica et al Autophagy 2021**) e abbiamo identificato 3 nuovi geni che permettono la localizzazione e funzione di NOTCH1 in cellule mammarie epiteliali di controllo e tumorali (**Kobia et al Life Sci Alliance 2024**)

2018-2022

Antonio Galeone, senior postdoc si è unito al mio lab con il supporto di una borsa postdottorale MSCA IF per studiare la regolazione post traduzionale delle proteine che trafficano al reticolo endoplasmatico.

In questo contesto abbiamo studiato il ruolo della OligoSaccharyl Transferase nel signaling durante lo sviluppo e nelle sindromi congenite della glicosilazione in collaborazione con il gruppo di Hamed Jafar-Nejad del Baylor College of Medicine di Houston (**Galeone et al elife 2020, Pandey et al Nat Commun 2023**).

Con ulteriore supporto di un Seed Grant dell'università degli studi di Milano abbiamo studiato anche la metagenomica del microbioma associato a modelli di Drosophila dei difetti della glicosilazione. La pubblicazione relativa a questo studio è in preparazione (**Consonni et al**).

2019-2024

Il mio laboratorio entra a far parte del MSCA ITN Doctoral network "Secretion, Autophagy and their role in Neurodegeneration" e inizia a occuparsi del ruolo dell'autofagia e della secrezione nella neurodegenerazione.

In quest'ambito per ora abbiamo pubblicato 2 review (**Smeele et al Semin Cell Biol 2023, Smeele et al Cells 2024**) e abbiamo 1 paper in preparation (**Smeele et al**).

2022-2024

Il lavoro su Snap29 procede con il supporto del finanziamento PRIN2020 nell'ambito dello studio dell'interazione con le proteine COG che operano all'apparato di Golgi e sono alterate nei difetti congeniti della glicosilazione.

Fino ad ora abbiamo pubblicato **Frappaolo et al Cell Death Dis 2023** e abbiamo 1 paper in preparazione (**Cesare et al**).

2023-2024

Nell'ambito malattie rare abbiamo recentemente ricevuto un finanziamento da Telethon e il finanziamento PRIN2022 per lo studio in Drosophila di modelli in vivo una particolare forma di miopatia viscerale causata da mutazioni in ACTG2. Il lavoro relativo è in corso in laboratorio.

2023

In collaborazione con un gruppo di ricerca al CNR di Napoli, abbiamo appena iniziato a studiare i geni che regolano la formazione dei neolactoglicosfingolipidi nel reticolo endoplasmatico e il loro coinvolgimento nello sviluppo dei tumori con il supporto di un finanziamento PRIN2022 PNRR.

2024

Abbiamo da poco ricevuto il supporto di Telethon per studiare un modello in Drosophila della malattia di Kufs di tipo B, una neurodegenerazione ceroido-lipofuscinosa causata da mutazioni nel gene che codifica per la Catepsina F.

Attività come partecipante ad altri gruppi di ricerca (2009-ad oggi)

Ho collaborato con il gruppo di Licia Selleri (all'epoca a Weill Cornell Medical College NY) alla caratterizzazione di un mutante in topo dell'ESCRT gene Vps25 (**Handschuh et al Cell Reports 2015**).

Ho collaborato con il gruppo di Davide Tampellini (Université Paris Sud) e con il gruppo di Angelo Poletti (DISFEB, Università degli Studi di Milano) per lo studio dell'attività lisosomale e autofagica in

modelli *in vivo* neurodegenerativi di Taupatia (Akwa et al Mol Psychiatry 2018, Rusmini et al Autophagy 2019, Ferrari et al Neuropathol Appl Neurobiol. 2022, Akwa et al Autophagy 2023).

Ho collaborato con il gruppo di Stefano Biffo (DBS, Università degli Studi di Milano) allo studio della regolazione di eIF6 in Drosophila (Russo et al Dev Biol 2019).

Ho collaborato con il gruppo di Valentina Massa (DISS, Università degli Studi di Milano) alla caratterizzazione di modelli *in vivo* di coesinopatie (Luna-Pelaez et al Cell Death Dis. 2019, Grazioli et al Cell Death Discov. 2021, Di Fede et al Int J Mol Sci 2021).

Ho collaborato con il gruppo di Simona Polo (IFOM e Università degli Studi di Milano) allo studio della Ubiquitin E3 ligasi Hecw (Fajner et al Nat Commun 2021).

FINANZIAMENTI

Ho ottenuto i seguenti finanziamenti come organizzatore, direttore e coordinatore (ODC) o partecipante (P):

2009

Start-up grant 6118 (5 anni) finanziato da AIRC per 455.400€, ruolo ODC.

Progetto "The Endocytic Control of Tumor Suppression",

2013

Investigator Grant GGP13225 (3 anni) finanziato da Telethon per 250.800€, ruolo ODC.

Progetto "A Drosophila model for CEDNIK Syndrome"

2014

Finanziamento di IIT@SEMM per coprire i costi di piattaforma di screening, ruolo ODC.

Progetto "SiRNA screen to identify new genes affecting NOTCH1 trafficking and signaling"

2015

Young Investigator Grant (3 anni) supportato da Cariplo, ruolo P (71.016€ assegnati alla mia unità).

Progetto "The functional importance of V-ATPase upregulation in human gliomas"

Investigator Grant 15954 (3 anni) finanziato da AIRC per 513.541€, ruolo ODC

Progetto "The function of vacuolar H⁺-ATPase in Notch physiology and tumor biology"

2017

Transautophagy COST action (3 anni) finanziato da EU, ruolo P

2018

Investigator Grant 18-0399 (3 anni) finanziato da Worldwide Cancer Research per 202.540€, ruolo ODC

Progetto "Identification of novel drug targets in the Notch pathway that are relevant to tumor formation"

Investigator Grant 20661 (5 anni) finanziato da AIRC per 707.000€, ruolo ODC

Progetto "Systematic genetic and pharmacologic modulation of Notch signaling and tumorigenesis in human cells and Drosophila"

Marie Skłodowska-Curie Action IF Postdoctoral Fellowship to Antonio Galeone (2 anni) finanziato da EU per 183.873€, ruolo ODC

Progetto "Role of OligoSaccharyl Transferase enzymes in developmental signaling and congenital disorders of glycosylation"

2019

Marie Skłodowska-Curie Action ITN Doctoral network (5 anni) finanziato da EU, ruolo P (261.500€ assegnati alla mia unità)

Progetto "Secretion, Autophagy and their role in Neurodegeneration"

2020

Seed grant finanziato da Università degli Studi di Milano per 30.000€, ruolo ODC
Progetto “Metataxonomic, genetic and biochemical investigation of the microbiome associated to Drosophila models of rare congenital syndromes”

2022

PRIN2020CLZ5XW (3 anni) finanziato da MUR per 659.835€ (ruolo ODC 231.155€ assegnati come capofila)

Progetto “The interplay between the SNARE protein SNAP29 and the COG tethering complex in physiology and pathology: cellular and organismal studies of Golgi trafficking in Drosophila models of congenital rare diseases”

2023

Investigator Grant GMR22T1078 (1 anno) finanziato da Telethon per 72.700€ (ruolo ODC)

Progetto “An in vivo model of intractable R257C-ACTG2 Visceral Myopathy to study pathogenesis and to identify new disease targets”

PRIN2022JKEBB8 (2 anni) finanziato da MUR per 239.189€ (ruolo ODC 121.683€ assegnati come capofila)

Progetto “Dissection of smooth muscle functionality in clinically-relevant in vitro and in vivo models of visceral myopathy”

PRIN2022PNRRYA3LL (2 anni) finanziato da MUR (ruolo P 102.529€ assegnati come capo unità)

Progetto “Neolacto series glycosphingolipids are oncolipids in lung squamous cell carcinomas”

2024

Investigator Grant GMR23T1152 (2 anni) finanziato da Telethon per 79.750€ (ruolo OPC)

Progetto “A Drosophila model of Type B Kufs/CLN13 disease to study pathogenesis and Cathepsin F function”

ATTIVITÀ QUALI LA DIREZIONE O LA PARTECIPAZIONE A COMITATI EDITORIALI DI RIVISTE SCIENTIFICHE

Dal 2017 sono editor della rivista *Cell Stress*

Dal 2019 sono editor della rivista *Scientific Reports*

Dal 2020 sono editor della rivista *Frontiers in Cell and Developmental Biology*

Dal 2021 sono editor della rivista *Cells*

Dal 2022 sono associate editor della rivista *Autophagy*

Agisco da revisore tra pari per le seguenti riviste scientifiche:

Nature, Nature Cell Biology, Nature communications, Scientific Reports, Proceedings of the National Academy of Sciences, PLOS Biology, PLOS Genetics, PLOS One, EMBO journal, EMBO reports, Journal of Cell Biology, Journal of Cell Science, Development, Developmental Dynamics, eLife, Current Biology, Genetics, Autophagy, Cell Reports, Molecular Biology of the Cell, Oncotarget, Physiological Reviews, Cancer research, Oncogene, Seminars in Cell and Developmental Biology, Journal of Medical Entomology, British Journal of Cancer, Trends in Cell Biology, Life Science Alliance, Biology Open, Nature communications, Review Commons.

TITOLARITÀ DI BREVETTI

nessuno

PREMI E RICONOSCIMENTI NAZIONALI E INTERNAZIONALI PER ATTIVITÀ DI RICERCA

Nel 1999 risulso vincitore di una European Molecular Biology Organization Predoctoral Fellowship
Nel 2006 e nel 2008 risulso vincitore di una American Heart Association Postdoctoral Fellowship

APPARTENENZA AD ACCADEMIE SCIENTIFICHE DI RICONOSCIUTO PRESTIGIO

Dal 2010 sono membro dell'Associazione Biologia Cellulare e Differenziamento (ABCD)
Dal 2018 sono membro dell'Associazione Italiana Biologia e Genetica (AIBG)

PARTECIPAZIONE IN QUALITÀ DI RELATORE A CONGRESSI E CONVEGNI DI INTERESSE NAZIONALE E INTERNAZIONALE

Ho partecipato come relatore dal 2009 ai seguenti congressi e convegni:

2009

1. EMBO/FASEB Endocytosis Meeting, Crete, Grecia
2. European Drosophila Research Meeting, Nice, Francia

2010

1. EMBO Crete Drosophila Meeting, Creta, Grecia
2. Seminario su invito presso ETH, Zurigo, Svizzera
3. Seminario su invito presso CIPF, Valencia, Spagna
4. Seminario su invito presso DKFZ, Heidelberg, Germania
5. Seminario su invito presso Harvard Medical School, Boston, USA
6. Seminario su invito presso University of Dusseldorf, Germania

2011

1. 1st JEDI Meeting, Leysin, Svizzera
2. Notch Meeting, Athens, Grecia
3. Seminario su invito presso University of Lausanne, Svizzera
4. Seminario su invito presso EMBL, Heidelberg, Germania
5. Seminario su invito presso IMBC a*STAR, Singapore
6. Seminario su invito presso Center for Cancer Biomedicine, Oslo, Norvegia

2012

1. EMBO Conference Series "Morphogenesis and Dynamics of Multicellular Systems", EMBL, Heidelberg, Germania
2. Beatson Institute workshop "Cold-blooded cancer. Non mammalian models for oncology research" Glasgow, UK
3. Gordon Conference on "Notch Signaling in Development, Regeneration & Disease". Bates College, Maine, USA
4. ESF-EMBO meeting "Cell polarity and membrane traffic", Poltusk, Polonia
5. DFG workshop "V-ATPase as a therapeutical target", Munich, Germania
6. Seminario su invito presso ICGEB, Trieste, Italia

2013

1. EMBO/FASEB Endocytosis Meeting, Villars, Svizzera
2. 3rd JEDI Meeting, UK
3. Seminario su invito presso Institute Pasteur, Paris, France
4. Seminario su invito presso Center for Cancer Biomedicine, Oslo, Norvegia
5. Seminario su invito presso Ludwig-Maximilian University, Munich, Germania

2014

1. ABCD Meeting "Cell Biology of Disease: Cancer", Parma, Italia
2. XVII Italian Flymeeting, Anagni, Italia

3. SIBBM Meeting "Emerging Arenas in Molecular Biology: from basic mechanisms to personalized medicine" Trento, Italia
4. ESF-EMBO meeting "Cell polarity and membrane traffic", Poltusk, Polonia
5. ABCD Meeting "Membrane Trafficking and Organelle Biogenesis", Pesaro, Italia

2015

1. Notch meeting, Athens, Grecia
2. Seminario su invito presso TIGEM, Naples, Italia
3. IFOM/EMBL Monterotondo Symposium, Milan, Italia
4. Barcelona BioMed Conference, "Drosophila as a model in cancer", Barcelona, Spagna
5. IFOM/MBI Joint Retreat, S. Teodoro, Italia
6. DFG Symposium "V-ATPase: A Novel Anti-Tumor Target" Milano, Italia
7. Center for Cancer Biomedicine, Norwegian Radium Hospital, Oslo, Norvegia
8. Seminario su invito presso LRI, London, UK
9. Seminario su invito presso Nerviano Medical Science, Nerviano, Italia
10. Seminario su invito presso Institut Curie, Paris, Francia

2016

1. Unconventional Proteins and Membranes Traffic Meeting, Lecce, Italia
2. 5rd JEDI Meeting, Ungheria
3. Italian Drosophila Meeting, Bologna, Italia
4. German Drosophila Meeting, Cologne, Germania
5. 6th Conference on Targeting Notch in Cancer, Mykonos, Grecia
6. Pathobiology of the Lysosome and Lysosomal Diseases, Cambridge, UK.
7. EMBL Alumni Meeting, Roma, Italia
8. SFBF Shaping Life Meeting, Marseille, Francia
9. IFOM International Scientific Meeting on chromosome replication and segregation, Milano, Italia
10. Seminario su invito presso CNR-Biometra, Milan, Italia
11. Seminario su invito presso DISS Ospedale San Paolo, Milan, Italia
12. Seminario su invito presso Ludwig-Maximilian University, Munich, Germania
13. Seminario su invito presso Institute of Neuropathology, Zurich, Svizzera

2017

1. 6th JEDI Meeting, Porto Conte, Italia
2. Manchester Fly Club, UK
3. "The future of cancer therapy" meeting, Catanzaro, Italia
4. Seminario su invito presso Institut Curie, Paris, Francia
5. Seminario su invito presso CIBIO University of Trento, Italia
6. Seminario su invito presso Università di Genova

2018

1. Drosophila models for neurodegenerative diseases ICGEB Trieste
2. XIX Italian Drosophila Research Conference (keynote speaker), University of Padova, Italia

2019

1. JCR ISPRA -DBS Joint Symposium, Milano, Italia
2. ABCD Meeting Bologna, Italia
3. Department of excellence Kick-off meeting, Milano, Italia
4. Seminario su invito presso Center for Cancer Biomedicine, Oslo, Norvegia
5. Seminario su invito presso University of Heidelberg, Mannheim, Germania
6. Seminario su invito presso CNR and Department of Genetics, La Sapienza, Rome, Italia
7. Seminario su invito presso Mario Negri Institute of Pharmacology, Milan, Italia).

2020

1. 6th Conference on Targeting Notch in Cancer, Cipro. (Cancellato per COVID)
1. Seminario su invito presso Università di Modena e Reggio Emilia (Cancellato per COVID)

2021

1. Seminario su invito presso Università La Sapienza, Roma, Italia

2022

1. EMBO workshop - Long Distance cell-cell signalling in development and disease, Exeter, UK
2. AIRC Startup meeting (keynote speaker), Humanitas, Milano Italia

2023

1. Tavola rotonda, Accademia Nazionale Entomologia, Firenze, Italia (keynote Speaker)
2. ABCD Meeting, Paestum, Italia.
3. Congresso centro 3R, University of Milan Bicocca Milano, Italia
4. Seminario su invito presso University of Dundee, Scotland, UK

2024

1. International Forum on Visceral Myopathy 2024, Arenzano, Italia
2. Neuronal ceroid lipofuscinosis meeting, Rome, Italia
3. Neurofly, Birmingham, UK
4. EDS Board meeting symposium, Lausanne, Svizzera.
5. UCL IHA Virtual Symposium, UK
6. Virtual Kickoff Meeting DBS DIPECC, Milano, Italia
7. Seminario su invito presso University of Innsbruck, Austria
8. Seminario su invito presso CNR Istituto di Neuroscienze, Veduggio al Lambro, Italia

ATTIVITÀ DI VALUTAZIONE NELL'AMBITO DI PROCEDURE DI SELEZIONE COMPETITIVE NAZIONALI E INTERNAZIONALI

Ho partecipato alle seguenti commissioni di concorsi pubblici:

2018

Componente della commissione degli esami di stato per l'abilitazione alla professione di Biologo organizzati dal dipartimento di Bioscienze dell'Università degli Studi di Milano

2020

ho fatto parte della commissione di selezione della procedura 900138 BIO/13 Art. 24 comma 3 dell'Università degli Studi di Milano

Ho fatto parte della commissione di selezione un posto per tecnico di categoria D a tempo indeterminato dell'Università degli Studi di Milano

2021

Ho fatto parte della commissione di selezione del concorso 4628 BIO/13 Art. 24 comma 5 dell'Università degli Studi di Milano

2023

Ho fatto parte della commissione di selezione della procedura 900355 BIO/13 Art. 24 comma 3 dell'Università degli Studi di Milano

2024

Ho fatto parte della commissione di selezione del concorso 5538 BIO/13 Art. 24 dell'Università degli Studi di Milano

Partecipazione a commissioni di assegnazione premi nazionali e internazionali:

Dal 2018 ad oggi

Componente della commissione per l'assegnazione del Premio Ranzi per le migliori tesi magistrali in biologia dello sviluppo (<https://www.unimi.it/it/studiare/borse-premi-mense-e-alloggi/premi-di-studio/premio-di-studio-prof-silvio-ranzi-aa-2023/2024>) dell'Università degli Studi di Milano

Dal 2023 ad oggi

In qualità di membro eletto del board EMBL degli alumni di EMBL (European Molecular Biology Laboratory), sono componente della commissione per l'assegnazione del John Kendrew Award (<https://www.embl.org/about/info/alumni/community/recognitions/the-john-kendrew-award/>) e del

Lennard del Lennart Philipson Award

(<https://www.embl.org/about/info/alumni/community/recognitions/the-lennart-philipson-award/>)

Partecipazione ad attività di revisione di finanziamento per le seguenti agenzie:

European Research Council (ERC) EU

Agence Nationale Recherche (ANR) FR

Wellcome Trust UK

Worldwide Cancer Research (WCR) UK

Biotechnology and Biological Sciences Research Council (BBSRC) UK

Deutsche Forschungsgemeinschaft (DFG) DE

Israel Science Foundation (ISF) IL

Swiss National Foundation (SNF) CH

ATTIVITÀ GESTIONALI, ORGANIZZATIVE, DI SERVIZIO

INCARICHI DI GESTIONE ED IMPEGNI ASSUNTI IN ORGANI COLLEGIALI E COMMISSIONI, PRESSO RILEVANTI ENTI PUBBLICI E PRIVATI E ORGANIZZAZIONI SCIENTIFICHE E CULTURALI, OVVERO PRESSO L'ATENEO O ALTRI ATENEI

Incarichi di ateneo e dipartimentali:

2018-2019

Membro della commissione didattica del dottorato di Biologia Molecolare e Cellulare, Università degli studi di Milano

Membro della commissione valutazione candidati del XXXIV ciclo del dottorato di Biologia Molecolare e Cellulare, Università degli studi di Milano

Dal 2019 ad oggi

Responsabile DSA e disabilità del dipartimento di Bioscienze

2020

Presidente della commissione paritetica della laurea magistrale BCG del dipartimento di Bioscienze

Dal 2021 ad oggi

Responsabile AQ del dipartimento di Bioscienze

Responsabile piani di studio laurea magistrale MBB

2022

Membro della commissione di assegnazione Assegni di ricerca di tipo A

Dal 2022 ad oggi

Membro del comitato di indirizzo della scuola di giornalismo "Walter Tobagi" e sono componente eletto della giunta del dipartimento di Bioscienze

Partecipazione a collegi di dottorato:

2009-2017

Membro del collegio del corso di dottorato SEMM (Scuola Europea di Medicina Molecolare), Università degli studi di Milano

Dal 2017 a oggi

Membro del collegio del corso di dottorato in Biologia Molecolare e Cellulare, Università degli studi di Milano

Partecipazione a comitati scientifici:

2011-2016

Membro dell'IFOM committee for ethical use of animals in research

Dal 2015 al 2017

Membro del comitato di organizzazione meeting scientifici di IFOM

Dal 2023 ad oggi

Membro eletto del board degli alumni di EMBL (European Molecular Biology Laboratory)

Membro eletto del board dell'European Drosophila Society

Organizzazione di convegni scientifici:

2012

Coorganizzazione dell Notch Meeting ad Atene, Greece, Grecia

2015

Coorganizzazione del DFG Symposium "V-ATPase: A Novel Anti-Tumor Target" presso IFOM Milano con A. Vollmar

2016

Coorganizzazione del IFOM International Scientific Meeting on "chromosome replication and segregation" con D. Branzei, A. Ciliberto, S. Polo

Coorganizzazione del IFOM International Scientific course on "Ubiquitin-assisted autophagy-from mechanisms to pathology" con D. Branzei, A. Ciliberto, S. Polo

2017

Organizzazione del "6th JEDI Meeting" presso Porto Conte, Sardegna

2018

Coorganizzazione del "EMBL Alumni meeting" presso IFOM Milano con K. Havas

2019

Coorganizzazione del "Joint JRC-DBS Workshop" presso l'Università degli Studi di Milano, IT con E. Cattaneo

Coorganizzazione del "DBS Dept. of Excellence Kick-off Meeting, presso l'Università degli Studi di Milano

2020

Coorganizzazione del "MyDev2020 Meeting" virtuale presso l'Università degli Studi di Milano con A. Cariboni e altri

2021

Coorganizzazione del "MyDev2021 Meeting" ibrido presso l'Università degli Studi di Milano con A. Cariboni e altri

2023

Organizzazione del "ITN SAND workshop" presso l'Università degli Studi di Milano

coorganizzazione del "MyDev2023 Meeting" presso l'Università degli Studi di Milano con A. Cariboni e altri

2024

Coorganizzazione del "XX Italian Drosophila Research Conference" presso IFOM, Milano con E. Donà and S. Polo

ATTIVITÀ DI TERZA MISSIONE

Dal 2009 al 2024 ho partecipato a svariate attività di fundraising di AIRC: eventi televisivi e radiofonici, cioccolatini della ricerca, azalee della ricerca etc.

https://www.youtube.com/watch?v=TtYD9F3C32A&ab_channel=FondazioneAIRCperlaRicercaSulCancro

<https://www.ilfattoniseno.it/2019/03/caltanissetta-a-i-r-c-nelle-scuole-il-prof-thomas-vaccari-incontra-gli-studenti/>
<https://gds.it/articoli/salute/2019/11/05/lotta-al-cancro-chi-sono-gli-scientiati-che-sbarcano-in-sicilia-c100759f-11ae-404f-af56-5cd6429ab78e/>
<https://www.letteraemme.it/linformazione-oncologica-nellincontro-airc-promosso-dal-liceo-bisazza/>

Da 2011 al 2024 ho dato seminari, lezioni e partecipato a molti incontri in varie sedi scolastiche per “IFOM per la scuola”, AIRC scuola, Incontri AIRC”, “AIRC Campus”

Dal 2012 al 2015 sono stato invitato a scrivere articoli di divulgazione scientifica per “Scienza in rete” www.scienzainrete.it/autori/vaccari/1030

Dal 2017 a oggi sono stato invitato annualmente a far parte della giuria dei premi “I giovani e le scienze” <https://fast.mi.it/i-giovani-e-le-scienze/>

AA 2019-20

Seminario divulgativo su CRISPR per CUSMIBIO, Università degli Studi di Milano
<https://cusmibio-cosp.unimi.it/>

Articolo divulgativo dal titolo “Risparmio, riciclo e riuso: Il ruolo centrale dell'autofagia nella vita delle cellule e degli organismi” sulla prima edizione di StaR magazine, Università di Roma La Sapienza
<https://bbcd.bio.uniroma1.it/bbcd/it/star-magazine-scientifico>

Dal 2021 al 2022 ho scritto articoli di divulgazione scientifica per “Agenda Digitale”
<https://www.agendadigitale.eu/giornalista/thomas-vaccari/>

Dal 2021 contribuisco alle attività di divulgazione scientifica dell’EMBL alumni association come co-moderatore di Coffee with EMBL, l’incontro periodico online con la comunità (https://www.youtube.com/playlist?list=PLpE5uwp_9l9oTG7hP-0SSr_Jz-5XyxEOQ) e come intervistatore di molti ricercatori e altri che hanno contribuito al successo di EMBL (https://www.youtube.com/playlist?list=PLpE5uwp_9l9pUOvZLi_Kp4dWEXLQrJfge)

Nel 2022 ho condotto nell’ambito delle attività di Prima Vera MIND “Life Sciences: come sarà la medicina del futuro?”, un dialogo pubblico con Fabrizio Preliasco e Matteo Moretti

Data

08/01/2025

Luogo

Milano